

Liste LI-00162

## Auswertungszeit und Taxpunkte

### Zytogenetik:

	TP <sup>a</sup>	Auswertungszeit (Tage)
Präsentations- oder Rückfall-Proben	1044	3-21 <sup>c</sup>
Verlaufskontrolle	1044	3-21 <sup>c</sup>
FISH	427.5/315 <sup>b</sup>	3-21 <sup>c</sup>
Asservierung Metaphasensuspensionen	243	-
Zellseparation (z.B. CD138+)	90	-

### Molekulargenetik:

	TP <sup>a</sup>	Auswertungszeit (Tage)
IgH/TCR, Marker-Etablierung inkl. erster MRD Zeitpunkt	4159.8	30-90
Bruchpunktmarker, Etablierung inkl. erster MRD Zeitpunkt	1067.4	30-90
<i>IKZF1</i> Deletion Screening	94.5	30-90
IgH/TCR (2 Marker), Verlaufskontrolle	167.4	3-14
Bruchpunktmarker oder <i>IKZF1</i> Deletion, Verlaufskontrolle	83.7	3-14
aCGH/SNP	2520	14-21
Mutationscreening (Myeloid NGS panel)	2520	7-21
Mutationscreening (Einzelgenanalyse)	900	7-21
Nukleinsäureextraktion (pro Material)	54.9	-

- a TP basieren auf der Analysenliste vom 1. Januar 2025 und können abhängig von dem durchgeführten Experiment und dem Ergebnis variieren
- b Einzelsonde, plus pro Lokus abhängig von der zugrundeliegenden Erkrankung und dem Ausgangsmaterial, maximal 7 zusätzliche Sonden
- c abhängig von der zugrundeliegenden Erkrankung und dem Ergebnis